



SEQUENCE LISTING

<110> Li-Sucholeiki, Xiao-Cheng
<120> Methods for Detecting Rare Polymorphic Variants in Genomic DNA Sequences

<130> 0050.2018-001

<140> US 09/965,662
<141> 2001-09-27

<150> US 60/235,601
<151> 2000-09-27

<160> 10

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1
<211> 30
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> probe

<400> 1
caaaaactgac agcacagaat ccagtggAAC

30

<210> 2
<211> 30
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> probe

<400> 2
aagacccaga atggcgctta ggactttggG

30

<210> 3
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<221> modified_base
<222> (1)...(1)
<223> 5'-FITC

<400> 3
gaataacaac acaaagaagc

20

<210> 4

<211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 4
 aacaaaaacc ctctaacaag

20

<210> 5
 <211> 123
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 5
 atmtrtttaa aadadakaa daatdaaamt aaraaaatth tatgttaatt acaaytgyta 60
 tataracatt ttgtttcaaa tgaayttt aaadactgaa aaattttgta artardttg 120
 att 123

Artificial.
 <210> 6
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<221> modified_base
 <222> (18)...(18)
 <223> Fluorescein

<400> 6
 ccatctcaga tcccaactcc

20

<210> 7
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 7
 aacaaaaacc ctctaacaag aatcaaacctt acttac

36

<210> 8
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 8
 tataatctag aaatgattga

20

<210> 9
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 9
accgttaact tccaaat^{taac}

20

*Ab
ow*

<210> 10
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 10
gcgggcgc^{ag} ggaaagaggt

20